KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System

Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Referenzdaten
Berechnungszeitraum: Januar 2020 bis Dezember 2024
Erstellungsdatum: 26.Februar 2025

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 27
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
Fax: 030 / 450-577-920
www.nrz-hygiene.de
Version: 26.Februar 2025

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System
Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Berechnungszeitraum: Januar 2020 bis Dezember 2024

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station: **INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400)** **Anzahl Patienten:** 969.010 **Mittlere Liegedauer:** 4,03
Anzahl Stationen: 233 **Anzahl Patiententage:** 3.908.216

Tabelle 1.1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate: gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK	233	3.908.216	3.297.901	84,38	79,16	86,56	91,44
ZVK	233	3.908.216	2.750.759	70,38	61,16	71,11	80,49
Beatmung INV	233	3.908.216	1.543.039	39,48	29,39	37,46	45,38
Beatmung NIV (a)	105	1.479.751	144.899	9,79	5,93	9,67	12,70
Ventrikeldrainage (a)	52	802.663	71.979	8,97	3,39	5,81	10,18
ECLS (a)	32	271.020	18.304	6,75	2,02	3,84	5,95

Tabelle 1.2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage): gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
212	3.683.525	1.015.509	275,69	175,28	249,58	341,02

Tabelle 2: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate: gepoolter arithm. Mittelwert	25%-Quantil (Q1)	Median	75%-Quantil (Q3)
HWK-assoziierte Harnweginfektion	233	4.220	1,28	0,41	0,89	1,67
ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)	233	3.233	1,18	0,40	0,99	1,60
INV-assoz. Atemweginfektion	233	5.854	3,79	1,61	3,08	5,22
-INV-assoz. Pneumonie	233	4.485	2,91	1,41	2,34	3,99
-INV-assoz. Bronchitis	233	1.369	0,89	0,00	0,06	0,80
NIV-assoz. Atemweginfektion (a)	105	245	1,69	0,00	0,64	2,69
-NIV-assoz. Pneumonie (a)	105	230	1,59	0,00	0,60	2,61
-NIV-assoz. Bronchitis (a)	105	15	0,10	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (a)	52	255	3,54	0,00	2,18	4,65
ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2) (a)	32	105	5,74	0,00	0,00	6,47

(a) - als optionale Surveillancekomponente

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnweginfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	4220
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	4220
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	4719

Tabelle 3.1.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	4220	100,00
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	988	23,41
Gram-negative	3413	80,88
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE	107	2,54
3MRGN	172	4,08
4MRGN	40	0,95

Tabelle 3.1.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	1573	37,27
- davon Escherichia coli	1573	37,27
-- davon 3MRGN	106	2,51
-- davon 4MRGN	3	0,07
Enterococcus spp.	904	21,42
- davon Enterococcus faecium	533	12,63
-- davon VRE	103	2,44
-- davon LRE	3	0,07
- davon Enterococcus faecalis	360	8,53
-- davon VRE	4	0,09
-- davon LRE	1	0,02
- davon Enterococcus avium	2	0,05
- davon Enterococcus durans	1	0,02
- davon andere Enterococcus spp.*	8	0,19
Klebsiella spp.	651	15,43
- davon Klebsiella pneumoniae	467	11,07
-- davon 3MRGN	21	0,50
-- davon 4MRGN	9	0,21
- davon Klebsiella oxytoca	152	3,60
-- davon 3MRGN	1	0,02
- davon Klebsiella variicola	5	0,12
- davon andere Klebsiella spp.*	27	0,64
Pseudomonas spp.	617	14,62
- davon Pseudomonas aeruginosa	614	14,55
-- davon 3MRGN	22	0,52
-- davon 4MRGN	21	0,50
- davon Pseudomonas putida	1	0,02

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon andere Pseudomonas spp.*	2	0,05
Proteus spp.	349	8,27
- davon Proteus mirabilis	327	7,75
-- davon 3MRGN	3	0,07
- davon Proteus vulgaris	12	0,28
- davon Proteus penneri	1	0,02
- davon andere Proteus spp.*	9	0,21

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	3233
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	3233
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	3497

Tabelle 3.2.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	2991	92,51
Fungus	262	8,10
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	2275	70,37
Gram-negative	791	24,47
MRE		
MRSA	27	0,84
VRE	114	3,53
3MRGN	33	1,02
4MRGN	14	0,43
Kommensale	1152	35,63

Tabelle 3.2.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	1393	43,09
- davon Staphylococcus epidermidis	863	26,69
- davon Staphylococcus aureus	322	9,96
-- davon MRSA	27	0,84
- davon Staphylococcus hominis	103	3,19
- davon Staphylococcus haemolyticus	74	2,29
- davon andere Staphylococcus spp.*	31	0,96
Enterococcus spp.	799	24,71
- davon Enterococcus faecium	609	18,84
-- davon VRE	111	3,43
-- davon LRE	1	0,03
- davon Enterococcus faecalis	182	5,63
-- davon VRE	3	0,09
- davon Enterococcus avium	5	0,15
- davon Enterococcus casseliflavus	1	0,03
- davon andere Enterococcus spp.*	2	0,06
Candida spp.	259	8,01
- davon Candida albicans	134	4,14
- davon Candida glabrata	66	2,04
- davon Candida parapsilosis	17	0,53
- davon Candida tropicalis	15	0,46
- davon andere Candida spp.*	27	0,84
Klebsiella spp.	221	6,84
- davon Klebsiella pneumoniae	149	4,61
-- davon 3MRGN	12	0,37
-- davon 4MRGN	6	0,19
- davon Klebsiella oxytoca	60	1,86

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
-- davon 3MRGN	1	0,03
- davon Klebsiella variicola	1	0,03
- davon andere Klebsiella spp.*	11	0,34
Escherichia spp.	195	6,03
- davon Escherichia coli	195	6,03
-- davon 3MRGN	5	0,15
-- davon 4MRGN	1	0,03

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	INV-assoz. Atemweginfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	5854
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	4985
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	6653

Tabelle 3.3.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	4829	82,49
Fungus	304	5,19
Virus	26	0,44
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	1402	23,95
Gram-negative	3997	68,28
MRE		
MRSA	90	1,54
VRE	15	0,26
3MRGN	215	3,67
4MRGN	71	1,21

Tabelle 3.3.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Klebsiella spp.	1220	20,84
- davon Klebsiella pneumoniae	796	13,60
-- davon 3MRGN	44	0,75
-- davon 4MRGN	12	0,20
- davon Klebsiella oxytoca	391	6,68
-- davon 3MRGN	7	0,12
-- davon 4MRGN	1	0,02
- davon Klebsiella variicola	4	0,07
- davon andere Klebsiella spp.*	29	0,50
Staphylococcus spp.	1128	19,27
- davon Staphylococcus aureus	1083	18,50
-- davon MRSA	90	1,54
- davon Staphylococcus epidermidis	21	0,36
- davon Staphylococcus haemolyticus	9	0,15
- davon Staphylococcus capitis	1	0,02
- davon andere Staphylococcus spp.*	14	0,24
Escherichia spp.	809	13,82
- davon Escherichia coli	806	13,77
-- davon 3MRGN	55	0,94
-- davon 4MRGN	3	0,05
- davon Escherichia hermannii	1	0,02
- davon andere Escherichia spp.*	2	0,03
Pseudomonas spp.	749	12,79
- davon Pseudomonas aeruginosa	737	12,59
-- davon 3MRGN	74	1,26
-- davon 4MRGN	40	0,68
- davon Pseudomonas fluorescens	4	0,07

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon Pseudomonas putida	3	0,05
- davon Pseudomonas chlororaphis	1	0,02
- davon andere Pseudomonas spp.*	4	0,07
Enterobacter spp.	588	10,04
- davon Enterobacter cloacae	327	5,59
-- davon 3MRGN	9	0,15
-- davon 4MRGN	2	0,03
- davon Enterobacter aerogenes	173	2,96
-- davon 3MRGN	6	0,10
-- davon 4MRGN	4	0,07
- davon Enterobacter hormaechei	9	0,15
-- davon 3MRGN	1	0,02
- davon Enterobacter asburiae	4	0,07
- davon andere Enterobacter spp.*	75	1,28

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	NIV-assoz. Atemweginfektion
Anzahl Infektionen insgesamt	245
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	145
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	189

Tabelle 3.4.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	134	54,69
Fungus	15	6,12
Virus	2	0,82
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	41	16,73
Gram-negative	106	43,27
MRE		
MRSA	3	1,22
VRE	0	0,00
3MRGN	1	0,41
4MRGN	1	0,41

Tabelle 3.4.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Klebsiella spp.	34	13,88
- davon Klebsiella pneumoniae	20	8,16
- davon Klebsiella oxytoca	13	5,31
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,41
Staphylococcus spp.	31	12,65
- davon Staphylococcus aureus	26	10,61
-- davon MRSA	3	1,22
- davon Staphylococcus haemolyticus	3	1,22
- davon Staphylococcus hominis	1	0,41
- davon Staphylococcus epidermidis	1	0,41
Escherichia spp.	21	8,57
- davon Escherichia coli	21	8,57
Enterobacter spp.	18	7,35
- davon Enterobacter cloacae	11	4,49
- davon Enterobacter aerogenes	3	1,22
- davon Enterobacter hormaechei	1	0,41
- davon andere Enterobacter spp.*	3	1,22
Candida spp.	12	4,90
- davon Candida albicans	6	2,45
- davon Candida tropicalis	4	1,63
- davon Candida glabrata	2	0,82

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis
Anzahl Infektionen insgesamt	255
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	229
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	239

Tabelle 3.5.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	226	88,63
Fungus	1	0,39
Virus	2	0,78
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	150	58,82
Gram-negative	77	30,20
MRE		
MRSA	1	0,39
VRE	3	1,18
3MRGN	4	1,57
4MRGN	1	0,39
Kommensale	120	47,06

Tabelle 3.5.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	123	48,24
- davon Staphylococcus epidermidis	84	32,94
- davon Staphylococcus aureus	14	5,49
-- davon MRSA	1	0,39
- davon Staphylococcus haemolyticus	12	4,71
- davon Staphylococcus hominis	11	4,31
- davon andere Staphylococcus spp.*	2	0,78
Klebsiella spp.	25	9,80
- davon Klebsiella pneumoniae	18	7,06
-- davon 3MRGN	3	1,18
- davon Klebsiella oxytoca	7	2,75
Enterococcus spp.	18	7,06
- davon Enterococcus faecium	10	3,92
-- davon VRE	3	1,18
- davon Enterococcus faecalis	8	3,14
Enterobacter spp.	17	6,67
- davon Enterobacter cloacae	9	3,53
- davon Enterobacter aerogenes	6	2,35
- davon andere Enterobacter spp.*	2	0,78
Escherichia spp.	12	4,71
- davon Escherichia coli	12	4,71
-- davon 3MRGN	1	0,39

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (nur B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	105
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	105
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	121

Tabelle 3.6.1: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bacterium	95	90,48
Fungus	13	12,38
Gram-Charakteristika		
Gram-positive	85	80,95
Gram-negative	15	14,29
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE	9	8,57
3MRGN	0	0,00
4MRGN	0	0,00
Kommensale	35	33,33

Tabelle 3.6.2: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Enterococcus spp.	49	46,67
- davon Enterococcus faecium	29	27,62
-- davon VRE	7	6,67
- davon Enterococcus faecalis	21	20,00
-- davon VRE	2	1,90
Staphylococcus spp.	40	38,10
- davon Staphylococcus epidermidis	33	31,43
- davon Staphylococcus aureus	7	6,67
- davon Staphylococcus capitis	1	0,95
- davon Staphylococcus cohnii	1	0,95
Candida spp.	12	11,43
- davon Candida albicans	9	8,57
- davon Candida parapsilosis	2	1,90
- davon andere Candida spp.*	1	0,95
Klebsiella spp.	4	3,81
- davon Klebsiella oxytoca	3	2,86
- davon Klebsiella pneumoniae	1	0,95
Escherichia spp.	4	3,81
- davon Escherichia coli	4	3,81

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus