

KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Nationales Referenzzentrum
für Surveillance von
nosokomialen Infektionen

**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS
Referenzdaten**

**Berechnungszeitraum: Januar 2021 bis Dezember 2025
Erstellungsdatum: 11. Mai 2026**

Nationales Referenzzentrum
für Surveillance
von nosokomialen Infektionen
Hindenburgdamm 30
12203 Berlin
Tel.: 030 / 450-577-612
www.nrz-hygiene.de
Version: 11. Mai 2026

Referenzdaten - Device-Anwendungsraten, Blutkulturdiagnostik, Inzidenzdichten und Device-assoziierte Infektionsraten

Art der Station:	INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400)	Anzahl Patienten:	1.019.526	Mittlere Liegedauer:	4,03
Anzahl Stationen:	237	Anzahl Patiententage:	4.106.390		

Tabelle 1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
HWK	237	4.106.390	3.464.729	84,37	78,75	86,09	91,32
ZVK	237	4.106.390	2.895.704	70,52	61,50	70,81	79,89
Beatmung INV	237	4.106.390	1.620.232	39,46	28,73	37,38	46,34
Beatmung NIV (a)	112	1.601.862	157.454	9,83	5,54	9,84	12,97
Ventrikeldrainage (a)	54	882.193	77.739	8,81	3,23	6,15	9,85
ECLS (a)	33	310.043	19.086	6,16	2,35	4,12	5,84

Tabelle 2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
213	3.826.531	1.070.780	279,83	183,55	266,04	362,28

Tabelle 3: Inzidenzdichte (Device-assoziierte und nicht Device-assoziierte Infektionen) über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Infektionstyp	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Infektionen	Inzidenzdichte			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
Harnwegsinfektion (D1-D3)	237	4.106.390	4.382	1,07	0,34	0,69	1,50
Primäre Blutstrominfektion/Sepsis (B1-B3)	237	4.106.390	3.662	0,89	0,32	0,71	1,15
Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1, J2)	237	4.106.390	7.908	1,93	0,63	1,57	2,82
Infektion Verbrennungswunden (L4)	(a)						
Andere	85	1.243.744	335	0,27	0,00	0,11	0,31

(a) - Datenmenge noch unzureichend

Tabelle 4: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-Tage	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion (D1, D2)	237	3.464.729	4.253	1,23	0,38	0,79	1,68
ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2)	237	2.895.704	3.337	1,15	0,42	0,91	1,53
INV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1)	237	1.620.232	6.155	3,80	1,51	3,08	5,31
INV-assoz. Pneumonie (C1a-C1d)	237	1.620.232	4.682	2,89	1,28	2,48	4,00
INV-assoz. Bronchitis (J1)	237	1.620.232	1.473	0,91	0,00	0,06	0,77
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1) (a)	112	157.454	276	1,75	0,00	0,70	2,61
NIV-assoz. Pneumonie (C1a-C1d) (a)	112	157.454	256	1,63	0,00	0,64	2,37
NIV-assoz. Bronchitis (J1) (a)	112	157.454	20	0,13	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (G2) (a)	54	77.739	260	3,34	0,00	2,29	4,08
ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2) (a)	33	19.086	94	4,93	0,00	0,00	6,01

(a) - als optionale Surveillancekomponente

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion (D1, D2)
Anzahl Infektionen insgesamt	4253
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	4253
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	4767

Tabelle 5: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	4253	100,00
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	1013	23,82
Gram-negative	3419	80,39
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE ¹	100	2,35
LRE ^{1,2}	4	
LVRE ^{1,2}	0	
3MRGN	172	4,04
4MRGN	35	0,82

Tabelle 6: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	1586	37,29
- davon Escherichia coli	1586	37,29
-- davon 3MRGN	101	2,37
-- davon 4MRGN	3	0,07
Enterococcus spp.	929	21,84
- davon Enterococcus faecium	568	13,36
-- davon VRE ¹	98	2,30
-- davon LRE ^{1,2}	3	
- davon Enterococcus faecalis	352	8,28
-- davon VRE ¹	2	0,05
-- davon LRE ^{1,2}	1	
- davon Enterococcus avium	2	0,05
- davon Enterococcus durans	1	0,02
- davon andere Enterococcus spp.*	6	0,14
Klebsiella spp.	650	15,28
- davon Klebsiella pneumoniae	461	10,84
-- davon 3MRGN	21	0,49
-- davon 4MRGN	9	0,21
- davon Klebsiella oxytoca	150	3,53
-- davon 4MRGN	1	0,02
-- davon 3MRGN	1	0,02
- davon Klebsiella variicola	9	0,21
- davon andere Klebsiella spp.*	30	0,71
Pseudomonas spp.	624	14,67
- davon Pseudomonas aeruginosa	620	14,58

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
-- davon 3MRGN	27	0,63
-- davon 4MRGN	18	0,42
- davon Pseudomonas putida	1	0,02
- davon andere Pseudomonas spp.*	3	0,07
Proteus spp.	357	8,39
- davon Proteus mirabilis	332	7,81
-- davon 3MRGN	2	0,05
- davon Proteus vulgaris	16	0,38
- davon Proteus penneri	2	0,05
- davon andere Proteus spp.*	7	0,16

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	3337
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	3337
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	3612

Tabelle 7: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	3092	92,66
Pilze	269	8,06
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	2347	70,33
Gram-negative	816	24,45
MRE		
MRSA	28	0,84
VRE ¹	102	3,06
LRE ^{1,2}	3	
LVRE ^{1,2}	1	
3MRGN	28	0,84
4MRGN	14	0,42
Kommensale	1167	34,97

Tabelle 8: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	1384	41,47
- davon Staphylococcus epidermidis	849	25,44
- davon Staphylococcus aureus	319	9,56
-- davon MRSA	28	0,84
- davon Staphylococcus hominis	103	3,09
- davon Staphylococcus haemolyticus	77	2,31
- davon andere Staphylococcus spp.*	36	1,08
Enterococcus spp.	848	25,41
- davon Enterococcus faecium	659	19,75
-- davon VRE ¹	98	2,94
-- davon LRE ^{1,2}	3	
-- davon LVRE ^{1,2}	1	
- davon Enterococcus faecalis	185	5,54
-- davon VRE ¹	4	0,12
- davon Enterococcus avium	4	0,12
- davon Enterococcus gallinarum	2	0,06
Candida spp.	267	8,00
- davon Candida albicans	123	3,69
- davon Candida glabrata	80	2,40
- davon Candida parapsilosis	16	0,48
- davon Candida krusei	15	0,45
- davon andere Candida spp.*	33	0,99
Klebsiella spp.	226	6,77
- davon Klebsiella pneumoniae	151	4,53
-- davon 3MRGN	10	0,30

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
-- davon 4MRGN	6	0,18
- davon Klebsiella oxytoca	65	1,95
- davon Klebsiella variicola	2	0,06
- davon andere Klebsiella spp.*	8	0,24
Escherichia spp.	186	5,57
- davon Escherichia coli	186	5,57
-- davon 3MRGN	5	0,15
-- davon 4MRGN	2	0,06

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1)
Anzahl Infektionen insgesamt	6155
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	5250
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	7069

Tabelle 9: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	5065	82,29
Pilze	368	5,98
Viren	43	0,70
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	1481	24,06
Gram-negative	4158	67,55
MRE		
MRSA	84	1,36
VRE ¹	12	0,19
LRE ^{1,2}	0	
LVRE ^{1,2}	0	
3MRGN	201	3,27
4MRGN	71	1,15

Tabelle 10: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Klebsiella spp.	1264	20,54
- davon Klebsiella pneumoniae	810	13,16
-- davon 3MRGN	40	0,65
-- davon 4MRGN	11	0,18
- davon Klebsiella oxytoca	420	6,82
-- davon 3MRGN	7	0,11
-- davon 4MRGN	1	0,02
- davon Klebsiella variicola	14	0,23
- davon andere Klebsiella spp.*	20	0,32
Staphylococcus spp.	1170	19,01
- davon Staphylococcus aureus	1128	18,33
-- davon MRSA	84	1,36
- davon Staphylococcus epidermidis	19	0,31
- davon Staphylococcus haemolyticus	9	0,15
- davon Staphylococcus capitis	1	0,02
- davon andere Staphylococcus spp.*	13	0,21
Escherichia spp.	807	13,11
- davon Escherichia coli	804	13,06
-- davon 3MRGN	46	0,75
-- davon 4MRGN	2	0,03
- davon Escherichia hermannii	1	0,02
- davon andere Escherichia spp.*	2	0,03
Pseudomonas spp.	793	12,88
- davon Pseudomonas aeruginosa	778	12,64
-- davon 3MRGN	73	1,19
-- davon 4MRGN	36	0,58

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon Pseudomonas fluorescens	4	0,06
- davon Pseudomonas putida	3	0,05
- davon Pseudomonas alcaligenes	1	0,02
- davon andere Pseudomonas spp.*	7	0,11
Enterobacter spp.	640	10,40
- davon Enterobacter cloacae	347	5,64
-- davon 3MRGN	8	0,13
-- davon 4MRGN	3	0,05
- davon Enterobacter aerogenes	200	3,25
-- davon 3MRGN	10	0,16
-- davon 4MRGN	7	0,11
- davon Enterobacter hormaechei	20	0,32
-- davon 3MRGN	1	0,02
- davon Enterobacter asburiae	3	0,05
- davon andere Enterobacter spp.*	70	1,14

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	NIV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1)
Anzahl Infektionen insgesamt	276
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	157
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	208

Tabelle 11: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

Erregergruppe	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	144	52,17
Pilze	18	6,52
Viren	3	1,09
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	44	15,94
Gram-negative	117	42,39
MRE		
MRSA	4	1,45
VRE ¹	0	0,00
LRE ^{1,2}	0	
LVRE ^{1,2}	0	
3MRGN	1	0,36
4MRGN	2	0,72

Tabelle 12: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	33	11,96
- davon Staphylococcus aureus	28	10,14
-- davon MRSA	4	1,45
- davon Staphylococcus haemolyticus	2	0,72
- davon Staphylococcus hominis	1	0,36
- davon Staphylococcus epidermidis	1	0,36
- davon andere Staphylococcus spp.*	1	0,36
Klebsiella spp.	33	11,96
- davon Klebsiella pneumoniae	19	6,88
- davon Klebsiella oxytoca	14	5,07
Escherichia spp.	21	7,61
- davon Escherichia coli	21	7,61
Enterobacter spp.	18	6,52
- davon Enterobacter cloacae	9	3,26
- davon Enterobacter aerogenes	5	1,81
- davon Enterobacter hormaechei	1	0,36
- davon andere Enterobacter spp.*	3	1,09
Pseudomonas spp.	16	5,80
- davon Pseudomonas aeruginosa	16	5,80
-- davon 4MRGN	1	0,36
-- davon 3MRGN	1	0,36

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (G2)
Anzahl Infektionen insgesamt	260
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	240
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	256

Tabelle 13: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	235	90,38
Pilze	5	1,92
Viren	2	0,77
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	165	63,46
Gram-negative	73	28,08
MRE		
MRSA	1	0,38
VRE ¹	3	1,15
LRE ^{1,2}	0	
LVRE ^{1,2}	0	
3MRGN	3	1,15
4MRGN	1	0,38
Kommensale	130	50,00

Tabelle 14: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	129	49,62
- davon Staphylococcus epidermidis	87	33,46
- davon Staphylococcus aureus	14	5,38
-- davon MRSA	1	0,38
- davon Staphylococcus hominis	13	5,00
- davon Staphylococcus haemolyticus	12	4,62
- davon andere Staphylococcus spp.*	3	1,15
Enterococcus spp.	22	8,46
- davon Enterococcus faecium	13	5,00
-- davon VRE ¹	3	1,15
- davon Enterococcus faecalis	9	3,46
Klebsiella spp.	22	8,46
- davon Klebsiella pneumoniae	18	6,92
-- davon 3MRGN	1	0,38
- davon Klebsiella oxytoca	4	1,54
Enterobacter spp.	17	6,54
- davon Enterobacter cloacae	7	2,69
- davon Enterobacter aerogenes	6	2,31
-- davon 3MRGN	1	0,38
- davon andere Enterobacter spp.*	4	1,54
Escherichia spp.	11	4,23
- davon Escherichia coli	11	4,23
-- davon 3MRGN	1	0,38

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: INTERDISZIPLINÄR (BETTEN >= 400))

Art der Infektion	ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	94
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	94
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	108

Tabelle 15: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Erregergruppe		
Bakterien	87	92,55
Pilze	9	9,57
Gram-Charakteristika der Bakterien		
Gram-positive	78	82,98
Gram-negative	13	13,83
MRE		
MRSA	0	0,00
VRE ¹	7	7,45
LRE ^{1,2}	0	
LVRE ^{1,2}	0	
3MRGN	0	0,00
4MRGN	0	0,00
Kommensale	33	35,11

Tabelle 16: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Enterococcus spp.	45	47,87
- davon Enterococcus faecium	26	27,66
-- davon VRE ¹	5	5,32
- davon Enterococcus faecalis	20	21,28
-- davon VRE ¹	2	2,13
Staphylococcus spp.	37	39,36
- davon Staphylococcus epidermidis	31	32,98
- davon Staphylococcus aureus	6	6,38
- davon Staphylococcus capitis	1	1,06
- davon Staphylococcus cohnii	1	1,06
Candida spp.	9	9,57
- davon Candida albicans	6	6,38
- davon Candida parapsilosis	2	2,13
- davon andere Candida spp.*	1	1,06
Escherichia spp.	4	4,26
- davon Escherichia coli	4	4,26
Klebsiella spp.	3	3,19
- davon Klebsiella oxytoca	2	2,13
- davon Klebsiella pneumoniae	1	1,06

*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

¹ Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

² LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.