

# KISS Krankenhaus-Infektions-Surveillance-System



Nationales Referenzzentrum  
für Surveillance von  
nosokomialen Infektionen

**Infektionssurveillance im Modul ITS-KISS  
Referenzdaten**

**Berechnungszeitraum: Januar 2021 bis Dezember 2025  
Erstellungsdatum: 11. Mai 2026**

Nationales Referenzzentrum  
für Surveillance  
von nosokomialen Infektionen  
Hindenburgdamm 30  
12203 Berlin  
Tel.: 030 / 450-577-612  
[www.nrz-hygiene.de](http://www.nrz-hygiene.de)  
Version: 11. Mai 2026

**Referenzdaten - Device-Anwendungsraten, Blutkulturdiagnostik, Inzidenzdichten und Device-assoziierte Infektionsraten**

<b>Art der Station:</b>	<b>WEANING</b>	<b>Anzahl Patienten:</b>	27.996	<b>Mittlere Liegedauer:</b>	13,33
<b>Anzahl Stationen:</b>	33	<b>Anzahl Patiententage:</b>	373.157		

Tabelle 1: Device-Anwendungsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Device	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Devicetage	Device-Anwendungsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
<b>HWK</b>	33	373.157	307.572	82,42	79,29	89,89	92,48
<b>ZVK</b>	33	373.157	173.542	46,51	31,56	44,20	64,92
<b>Beatmung INV</b>	33	373.157	216.159	57,93	45,85	60,62	74,44
<b>Beatmung NIV (a)</b>	19	158.883	19.617	12,35	6,68	9,79	14,65
<b>Ventrikeldrainage (a)</b>	(b)						
<b>ECLS (a)</b>	(b)						

Tabelle 2: Umfang der Blutkulturdiagnostik über alle Stationen dieser Art, nur Stationen, die mindestens einmalig im Zeitraum Angaben zu Blutkulturen gemacht haben

Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Blutkulturen	Blutkultur-Abnahmefrequenz (Anz. Blutkulturen / 1000 Patiententage)			
			gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
30	332.623	52.434	157,64	85,92	114,32	181,56

Tabelle 3: Inzidenzdichte (Device-assoziierte und nicht Device-assoziierte Infektionen) über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Infektionstyp	Anzahl Stationen	Anzahl Patiententage	Anzahl Infektionen	Inzidenzdichte			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
Harnwegsinfektion (D1-D3)	33	373.157	718	1,92	0,95	1,50	2,02
Primäre Blutstrominfektion/Sepsis (B1-B3)	33	373.157	344	0,92	0,45	0,81	1,50
Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1, J2)	33	373.157	624	1,67	0,22	0,87	2,36
Infektion Verbrennungswunden (L4)	(a)						
Andere	8	53.241	14	0,26	0,00	0,20	0,87

(a) - Datenmenge noch unzureichend

Tabelle 4: Device-assoziierte Infektionsraten über alle Stationen dieser Art (Elemente mit weniger als 5 Stationen werden nicht angezeigt)

Art der Infektion	Anzahl Stationen	Anzahl Device-Tage	Anzahl Device-ass. Infektionen	Device-assoziierte Infektionsrate			
				gepoolter arithm. Mittelwert	Q1	Median	Q3
HWK-assoziierte Harnwegsinfektion (D1, D2)	33	307.572	651	2,12	0,99	1,69	2,27
ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2)	33	173.542	303	1,75	0,86	1,48	2,50
INV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1)	33	216.159	514	2,38	0,38	1,12	3,67
INV-assoz. Pneumonie (C1a-C1d)	33	216.159	306	1,42	0,14	0,84	2,13
INV-assoz. Bronchitis (J1)	33	216.159	208	0,96	0,00	0,09	0,99
NIV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1) (a)	19	19.617	21	1,07	0,00	0,00	2,05
NIV-assoz. Pneumonie (C1a-C1d) (a)	19	19.617	15	0,76	0,00	0,00	1,03
NIV-assoz. Bronchitis (J1) (a)	19	19.617	6	0,31	0,00	0,00	0,00
Ventrikeldrainage-assoziierte Meningitis (G2) (a)	(b)						
ECLS-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2) (a)	(b)						

(a) - als optionale Surveillancekomponente

(b) - Datenmenge noch unzureichend

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)**

Art der Infektion	HWK-assoziierte Harnwegsinfektion (D1, D2)
Anzahl Infektionen insgesamt	651
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	651
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	755

Tabelle 5: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

Erregergruppe	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Bakterien	651	100,00
<b>Gram-Charakteristika der Bakterien</b>		
Gram-positive	150	23,04
Gram-negative	550	84,49
<b>MRE</b>		
MRSA	0	0,00
VRE <sup>1</sup>	11	1,69
LRE <sup>1,2</sup>	0	
LVRE <sup>1,2</sup>	0	
3MRGN	41	6,30
4MRGN	9	1,38

Tabelle 6: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Escherichia spp.	173	26,57
- davon Escherichia coli	173	26,57
-- davon 3MRGN	15	2,30
Pseudomonas spp.	146	22,43
- davon Pseudomonas aeruginosa	146	22,43
-- davon 3MRGN	9	1,38
-- davon 4MRGN	6	0,92
Enterococcus spp.	138	21,20
- davon Enterococcus faecium	79	12,14
-- davon VRE <sup>1</sup>	9	1,38
- davon Enterococcus faecalis	56	8,60
-- davon VRE <sup>1</sup>	2	0,31
- davon Enterococcus casseliflavus	1	0,15
- davon Enterococcus raffinosus	1	0,15
- davon andere Enterococcus spp.*	1	0,15
Klebsiella spp.	113	17,36
- davon Klebsiella pneumoniae	79	12,14
-- davon 3MRGN	12	1,84
-- davon 4MRGN	2	0,31
- davon Klebsiella oxytoca	30	4,61
-- davon 3MRGN	1	0,15
- davon Klebsiella variicola	3	0,46
- davon andere Klebsiella spp.*	1	0,15
Proteus spp.	76	11,67
- davon Proteus mirabilis	70	10,75
-- davon 3MRGN	1	0,15

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
- davon Proteus vulgaris	5	0,77
- davon andere Proteus spp.*	1	0,15

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

<sup>1</sup> Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

<sup>2</sup> LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)**

Art der Infektion	ZVK-assoziierte Blutstrominfektion (B1, B2)
Anzahl Infektionen insgesamt	303
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	303
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	341

Tabelle 7: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bakterien	290	95,71
Pilze	14	4,62
<b>Gram-Charakteristika der Bakterien</b>		
Gram-positive	226	74,59
Gram-negative	76	25,08
<b>MRE</b>		
MRSA	7	2,31
VRE <sup>1</sup>	12	3,96
LRE <sup>1,2</sup>	0	
LVRE <sup>1,2</sup>	0	
3MRGN	8	2,64
4MRGN	5	1,65
<b>Kommensale</b>	116	38,28

Tabelle 8: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Staphylococcus spp.	145	47,85
- davon Staphylococcus epidermidis	85	28,05
- davon Staphylococcus aureus	40	13,20
-- davon MRSA	7	2,31
- davon Staphylococcus hominis	11	3,63
- davon Staphylococcus haemolyticus	9	2,97
Enterococcus spp.	77	25,41
- davon Enterococcus faecium	60	19,80
-- davon VRE <sup>1</sup>	12	3,96
- davon Enterococcus faecalis	18	5,94
Pseudomonas spp.	21	6,93
- davon Pseudomonas aeruginosa	21	6,93
-- davon 4MRGN	3	0,99
-- davon 3MRGN	3	0,99
Klebsiella spp.	17	5,61
- davon Klebsiella pneumoniae	9	2,97
-- davon 3MRGN	1	0,33
- davon Klebsiella oxytoca	6	1,98
- davon andere Klebsiella spp.*	2	0,66
Candida spp.	14	4,62
- davon Candida albicans	7	2,31
- davon Candida glabrata	5	1,65
- davon Candida tropicalis	1	0,33
- davon Candida krusei	1	0,33

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

<sup>1</sup> Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

<sup>2</sup> LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.

**Referenzdaten - Erregerstatistik der häufigsten Erreger (Art der Station: WEANING)**

Art der Infektion	INV-assoz. Atemwegsinfektion (C1a-C1d, J1)
Anzahl Infektionen insgesamt	514
Anzahl Infektionen mit Erregerangabe	463
Erregerangaben im Rahmen von Infektionen	596

Tabelle 9: Anzahl Infektionen in der angegebenen Erregergruppe

Erregergruppe	Anzahl	Pro 100 Infektionen
<b>Erregergruppe</b>		
Bakterien	456	88,72
Pilze	13	2,53
Viren	1	0,19
<b>Gram-Charakteristika der Bakterien</b>		
Gram-positive	101	19,65
Gram-negative	389	75,68
<b>MRE</b>		
MRSA	20	3,89
VRE <sup>1</sup>	2	0,39
LRE <sup>1,2</sup>	0	
LVRE <sup>1,2</sup>	0	
3MRGN	36	7,00
4MRGN	14	2,72

Tabelle 10: Anzahl Infektionen für die angegebenen Genera und Spezies (Top 5)

Erreger	Anzahl	Pro 100 Infektionen
Pseudomonas spp.	147	28,60
- davon Pseudomonas aeruginosa	147	28,60
-- davon 3MRGN	19	3,70
-- davon 4MRGN	7	1,36
Klebsiella spp.	102	19,84
- davon Klebsiella pneumoniae	77	14,98
-- davon 3MRGN	7	1,36
-- davon 4MRGN	3	0,58
- davon Klebsiella oxytoca	20	3,89
-- davon 3MRGN	1	0,19
- davon Klebsiella variicola	2	0,39
- davon andere Klebsiella spp.*	3	0,58
Staphylococcus spp.	78	15,18
- davon Staphylococcus aureus	77	14,98
-- davon MRSA	20	3,89
- davon Staphylococcus haemolyticus	1	0,19
Escherichia spp.	72	14,01
- davon Escherichia coli	72	14,01
-- davon 3MRGN	8	1,56
Serratia spp.	37	7,20
- davon Serratia marcescens	35	6,81
- davon andere Serratia spp.*	2	0,39

\*Enthält seltenere und nicht näher spezifizierte Spezies dieses Genus

<sup>1</sup> Bei den resistenten Enterokokken werden die unterschiedlichen Resistenztypen für VRE, LVRE und LRE jeweils getrennt aufgeführt. Keine der Resistenztypen ist in anderen Gruppen subsumiert (z.B. LVRE sind nicht in VRE inkludiert).

<sup>2</sup> LRE und LVRE können regelhaft erst seit 2024 in webKess dokumentiert werden. Die Darstellung als Rate pro 100 Infektionen erfolgt daher erstmalig in den Referenzdaten 2024-2028.